

Groupe de Travail des Doctorants

Modèles de survie en grande dimension

un modèle de mélange et ses applications, suivi d'un modèle de
détection automatique de cut-points dans un modèle de Cox.

Simon Bussy

Le 11 Avril 2017

1. Le modèle C-mix

Le modèle sera rapidement présenté ([lien1](#)), pour se concentrer davantage sur les applications : une première sur les données d'expressions génétiques du TCGA (The Cancer Genome Atlas) et une seconde sur les données de l'HEGP (Hôpital Européen Georges-Pompidou) concernant la Drépanocytose.

2. Le modèle de Cox avec détection de cut-points

Une présentation très brève de la pénalité *binarsity* sera faite ([lien2](#)), avec une revue succincte de quelques applications. Nous verrons ensuite comment cette pénalité, introduite dans un modèle de Cox, peut permettre de détecter des cut-points dans un contexte de grande dimension.